

บทความพื้นวิชา

Molecular Basis of Thalassemia and Hemoglobin Disorder

กิตติ ต่อจรัส

กองพยาธิวิทยา โรงพยาบาลพระมงกุฎเกล้า

ในภูมิภาคเอเชียตะวันออกเฉียงใต้พบอุบัติการณ์ของธาลัสซีเมียและฮีโมโกลบินผิดปกติสูงโดยเฉพาะในประเทศไทยพบผู้ที่เป็นพาหะและเป็นโรคร้อยละ 30-40 และ 1 ตามลำดับ¹ เนื่องจากโรคธาลัสซีเมียและฮีโมโกลบินผิดปกติเป็นโรคถ่ายทอดทางพันธุกรรม การทราบยาคิสภาพระดับโมเลกุลสามารถนำมาประยุกต์ใช้ได้ทางคลินิกและการป้องกันโรคที่จะเกิดขึ้นใหม่

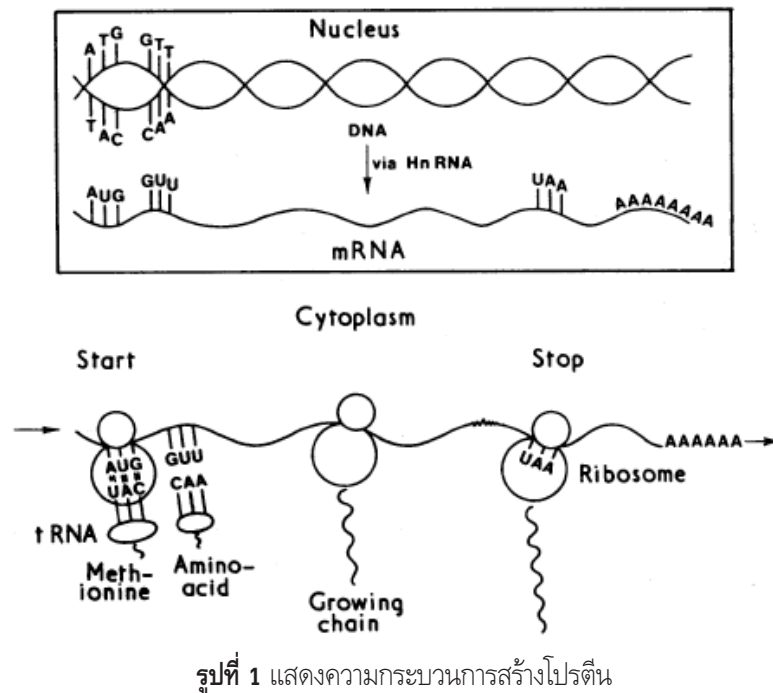
ยีนที่ควบคุมการสร้างโปรตีน

เซลล์ของสิ่งมีชีวิตประกอบด้วย cytoplasm และ nucleus ใน nucleus จะมี deoxynucleic acid (DNA) 2 สายพันกันเป็นเกลียว ใน DNA จะมี base 4 ชนิด ประกอบด้วย adenine (A), thymine (T), guanine (G), และ cytosine (C) ในการกำหนดให้มีการสร้างโปรตีนโดยจะมีรหัส (genetic code) ประกอบด้วย base 3 ตัว กำหนดให้สร้าง กรดอะมิโน (amino acid) ซึ่งจะประกอบเป็นโปรตีนต่อไป กระบวนการสร้างโปรตีนดังกล่าวจึง

ประกอบด้วย 1) มีการคลายเกลียวของคู่ DNA 2) มีการ copy รหัสของ DNA เป็น messenger ribonucleic acid (mRNA) โดย thymine (T) จะเปลี่ยนเป็น uridine (U) 3) หลังจากนั้น mRNA จะออกจาก nucleus มาสู่ cytoplasm 4) โดยอาศัย ribosome และ transfer RNA จะมีรหัส AUG ทำให้มีการเริ่มสร้าง amino acid ตัวแรกซึ่งคือ methionine กระบวนการสร้างจะดำเนินต่อไปจนได้โปรตีนที่ต้องการ 5) การสร้างโปรตีนจะสิ้นสุดโดยมีรหัส UAA ให้หยุดการสร้าง² ขั้นตอนการสร้างโปรตีนสามารถสรุปได้ดังรูปที่ 1

วิวัฒนาการของการสร้าง Hb

ใน hemoglobin ซึ่งมีโปรตีนหรือโกลบิน (globin) ที่สำคัญอยู่ 3 ชนิด คือ alpha (α), beta (β) และ gamma (γ) globin จะมีกระบวนการสร้างโปรตีนขึ้นตามที่กล่าวข้างต้น ทารกในครรภ์จะมี Hb F ซึ่งประกอบด้วย α และ γ globin อย่างละ 2 เส้น เมื่อทารกใกล้คลอดจะมีการสร้าง Hb A ซึ่งประกอบด้วย α และ β globin อย่างละ 2 เส้น หลังคลอดการสร้าง Hb F ลดลงและจะหมดไปในอายุมากกว่า 1 ปี ส่วน delta (δ) globin จะสร้างหลังคลอดเช่นกันรวมกับ β globin เป็น Hb A₂ โดยในผู้ใหญ่จะมี Hb A และ Hb A₂ ร้อยละ 97 และ 3 ตามลำดับ



ยีนที่ควบคุมการสร้างฮีโมโกลบิน

ในคนปกติโครโมโซมคู่ที่ 11 จะมี β globin gene cluster ประกอบด้วย β -gene, δ -gene, γ , $A\gamma$ -gene และ ϵ -gene และบนโครโมโซมคู่ที่ 16 จะมี α globin gene cluster ประกอบด้วย $\alpha 1$, $\alpha 2$ gene และ zeta (ζ) gene การสร้าง α และ β globin ถูกกำหนดโดย α -gene กับ β -gene เกิดเป็น Hb A ($\alpha_2\beta_2$) ส่วน α -gene

กับ δ -gene คู่การสร้าง alpha และ delta globin เกิดเป็น Hb A₂ (a2d2) และ α -gene กับ γ -gene คู่การสร้าง alpha และ gamma globin เกิดเป็น Hb F (a2g2)

ธาลัสซีเมียเป็นโรคซึดทางพันธุกรรมที่ถ่ายทอดแบบ autosomal recessive แบ่งธาลัสซีเมียเป็น 2 กลุ่มใหญ่ คือมี α และ β -thalassemia จะมี α และ β -thalassemia gene กำหนดให้การสร้าง α หรือ β globin ในปริมาณที่ลดลงหรือสร้างไม่ได้ตัวอย่างเช่น α^0 -thalassemia และ α^+ -thalassemia จะไม่มีการสร้าง alpha globin และสร้างได้ในปริมาณที่ลดลงตามลำดับ นอกจากนี้ผู้ที่ไม่มีฮีโมโกลบินผิดปกติ เช่น Hb E จะมี Hb E gene ซึ่งอยู่บน beta globin gene cluster ควบคุมให้มีการสร้าง Hb E ซึ่งเป็นฮีโมโกลบินผิดปกติทำหน้าที่เหมือน β -thalassemia trait เป็นต้น

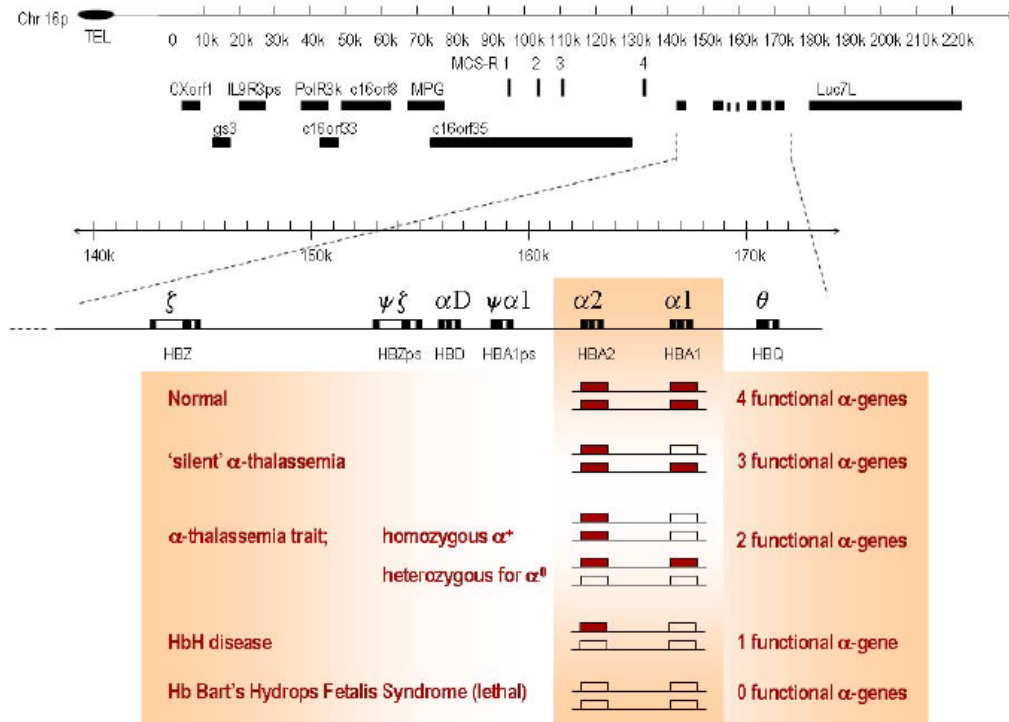
α - thalassemia and abnormal Hb

ในคนปกติ α - thalassemia gene จะมียีนที่ทำหน้าที่ (functional gene) 4 gene³ หรือเขียนเป็น $\alpha\alpha/\alpha\alpha$ ผู้ที่เป็นพาหะ α - thalassemia 1 (- / $\alpha\alpha$) ส่วนใหญ่เป็นชนิดเกิดจากการขาดหายของยีนไป (deletion)³ จากการศึกษาดูพบว่า

พบเป็นชนิด SEA (southeast Asian) หรือ -^{SEA}/ $\alpha\alpha$ และ THAI deletion หรือ -^{THAI}/ $\alpha\alpha$ ร้อยละ 99 และ 1 ตามลำดับ⁴ แต่สำหรับพาหะ α - thalassemia 2 (- $\alpha/\alpha\alpha$) นั้นตรวจพบทั้งชนิด 3.7 kb deletion และ 4.2 kb deletion โดยชนิด 3.7 kb deletion พบได้มากกว่า⁵ (ตารางที่ 1) functional gene ในพาหะและโรคของกลุ่มแอลฟาธาลัสซีเมียแสดงในรูปที่ 2 ในส่วนของ α - thalassemia 2 ชนิด non deletion นั้น ตรวจพบ hemoglobin ผิดปกติ 5 ชนิด คือ Hb Constant Spring (a2:Term-Gln) และ Hb Pakse'(a2:Term-Tyr)⁵, Hb Quang Sze (a125 Leu - Pro)^{5,6}, Hb Q-Thailand [α 74 Asp - His & (- $\alpha^{4,2}$)]⁷ และ codon 30 (GAG deletion)⁸ นอกจากนี้ยังพบ Hb Pak Num Po⁹ ที่เกิดจาก insertion ของ nucleotide T ดังตารางที่ 4

ตารางที่ 1 แสดง α -thalassemia ชนิด deletion ที่พบบ่อย

α -thalassemia mutation	Phenotype
Southeast Asian deletion (--SEA)	α^0
Thai deletion (--Thai)	α^0
3.7 kb deletion (- $\alpha^{3,7}$)	α^+
4.2 kb deletion (- $\alpha^{4,2}$)	α^+



รูปที่ 2 แสดง functional gene ใน α -thalassemia

ผู้ป่วยในกลุ่มนี้ประกอบด้วย Hb H, Hb Bart's hydrops fetalis และ Hb AEBart's disease ตัวอย่างของ Hb H มีลักษณะของยีน (genotype) ได้หลากหลายโดยแบ่งเป็น 2 กลุ่มคือ ชนิดที่มีการขาดหายของยีน (deletional Hb H disease) และไม่มีการขาดหายของยีน (non-deletional Hb H disease)⁵ ดังตารางที่ 2 ส่วนอาการแสดงของ Hb H, Hb H-CS และ Hb PS ดังตารางที่ 3 แม้ว่า α -thalassemia 1 ที่พบบ่อยจะเป็นชนิด SEA deletion แต่อย่างไรก็ตามยังพบ Hb Bart's hydrops fetalis ที่เกิดจาก homozygous α -thalassemia 1 ชนิด SEA deletion ร่วมกับ THAI deletion (- -^{SEA}/₋^{THAI}) ในคนไทยได้¹⁰ ดังนั้นการตรวจกรองพาหะของ α -thalassemia 1 จึงจะตรวจชนิด THAI deletion ร่วมด้วยเสมอ

β - thalassemia and abnormal Hb

การสร้าง β -globin ได้น้อยหรือไม่มีการสร้างเลยทำให้เกิด β^+ หรือ β^0 - thalassemia ตามลำดับพยาธิสภาพส่วนน้อยเกิดจาก deletion ส่วนใหญ่เกิดจากใน DNA มีการแทนที่ของเบส (single base substitution) ดังรูปที่ 3 ในกระบวนการของกระบวนการสร้างสายโกลบินคือ transcription, mRNA processing และ translation^{11, 12} จากการศึกษา β - thalassemia gene พบว่าเป็นกลุ่มที่มีอาการน้อย (mild β^+ - thalassemia) พบ 3 ชนิด คือ -28 (A-G), -87 (C-A) และ codon 19 (Hb Malay) ส่วน severe β^+ - thalassemia พบ 2 ชนิด คือ IVS2#654 (C-T) และ IVS1#5 (G-C) ที่เหลือเป็นกลุ่มที่มีอาการมาก (β^0 -thalassemia) ทั้งหมด สำหรับ Hemoglobin ผิดปกติในกลุ่ม β -thalassemia ดังแสดงในตารางที่ 4

ประโยชน์ของการตรวจความผิดปกติระดับโมเลกุลของ β -thalassemia คือใช้ในการวางแผนควบคุมและป้องกันการ

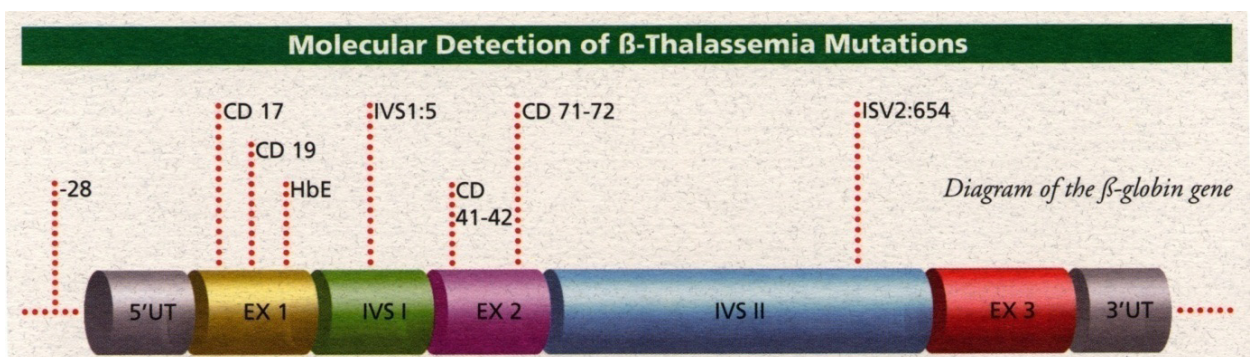
ตารางที่ 2 แสดง Genotype ของ Hb H disease

Genotype	Number	%
Deletional Hb H disease		
-- ^{SEA} / ₋ α ^{3.7}	135	43.66
-- ^{SEA} / ₋ α ^{4.2}	5	1.42
-- ^{THAI} / ₋ α ^{3.7}	1	0.28
-- ^{SEA} / ₋ α ^{4.2} (Q-Thailand)	1	0.28
Total	142	40.0
Non-deletional Hb H disease		
-- ^{SEA} / ₋ α ^{CS}	185	51.0
-- ^{SEA} / ₋ α ^{PS}	23	6.48
-- ^{SEA} / ₋ α ^{PNP}	3	0.84
-- ^{SEA} / ₋ α ^{OS}	2	0.56
-- ^{THAI} / ₋ α ^{CS}	1	0.28
-- ^{SEA} / ₋ α ^{Anti G-T}	1	0.28
-- ^{SEA} / ₋ α ^{AATA-}	1	0.28
-- ^{SEA} / ₋ ($\alpha\alpha$) ^{unknown}	1	0.28
Total	213	60.0

SEA = Southeast Asian; CS=Constant Spring; PS = Pakse'; PNP = Pak Nam Po

ตารางที่ 3 แสดงอาการแสดงของ Hb H, Hb H-CS และ Hb PS

Symptoms	Hb H	Hb H-CS and Hb PS
N	125	145
Age at first transfusion	11 ± 5.5	1.5 ± 2.1
History of blood transfusion	29%	50%
Growth retardation	rare	15%
Anemia	58%	65%
Jaundice	24%	27%
Hepatomegaly	6%	11%
Splenomegaly	15%	24%
Gall stones	10%	28%



รูปที่ 3 แสดงความผิดปกติระดับโมเลกุลของ β - thalassemia

ตารางที่ 4 แสดงฮีโมโกลบินผิดปกติที่พบบ่อยในประเทศไทย

Hemoglobin	Mutation	Base change
α-thalassemia		
Hb Q Thailand	α 34 Asp > His	<u>GAC</u> > <u>CAC</u>
Hb Saun Dok	α 109 Leu > Arg	CTG > CGG
Hb Quong Sze	α 125 Leu > Pro	CTG > CCG
Hb Pak Num Po	α 131/132 insertion	+T
Hb Constant Spring	α C terminal elongation	TAA>CAA
Hb Pakse	α C terminal elongation	TAA> TAT
β-thalassemia		
Hb C	β 6 Glu > Lys	<u>GAG</u> > <u>AAG</u>
Hb S	β 6 Glu > Val	GAG > GTG
Hb Siriraj	β 7 Glu > Lys	<u>GAG</u> > <u>AAG</u>
Hb Malay	β 19 Asn > Ser	AAC > AGC
Hb E	β 26 Glu > Lys	<u>GAG</u> > <u>AAG</u>
Hb Pygos	β 83 Gly > Asp	GGC > GAC
Hb D Punjab	β 121 Glu > Gln	<u>GAA</u> > <u>CAA</u>
Hb Khon Kaen	β 123-125 (-8bp)	-ACCCCACC
Hb Dhonburi	β 126 Val > Gly	GTG > GGG
Hb Hope	β 136 Gly > Asp	GGT > GAT
Hb Tak	β C terminal elongation	+AC
$\delta\beta$-thalassemia		
Hb Leporee Washington-Boston	δ 87- β 116 fusion	deletion
Hb Leporee-Hollandia	δ 22- β 50 fusion	deletion

เกิดผู้ป่วยธาลัสซีเมียรายใหม่โดยการวินิจฉัยทารกในครรภ์ก่อนคลอด (prenatal diagnosis, PND) และบอกความรุนแรงของโรค ความผิดปกติของ β -thalassemia gene ที่พบบ่อย ในแต่ละภูมิภาคในประเทศไทยมีความผิดปกติของ β -thalassemia gene แตกต่างกันดังตารางที่ 5

Hereditary persistence of fetal hemoglobin (HPFH)

เป็นภาวะที่ไม่มีการสร้าง β globin เป็นผลให้มีการสร้าง γ globin มากขึ้นทำให้มีปริมาณ Hb F หรือ fetal Hb สูงตลอด (persistence of fetal hemoglobin) และเกิดจากถ่ายทอดของยีนหรือเรียกว่าเป็นพันธุกรรม (hereditary) จึงเรียกภาวะนี้ว่าเป็น hereditary persistence of fetal hemoglobin หรือเขียนย่อเป็น HPFH ภาวะนี้ทำให้มีการสร้าง Hb F สูงอาการไม่รุนแรง ซีดไม่มาก สาเหตุหรือพยาธิสภาพมีได้หลายอย่างเช่น จากการผ่าเหล่าของ γ gene (single point mutation of γ -globin gene promotor) หรือจากการขาดหายไปส่วน β -globin gene cluster ทำให้มีการ

ขาดหายไปของ $\delta\beta$ และ γ -gene เช่น $G\gamma$ ($A\gamma\delta\beta$)⁰ และ HPFH-6 จะพบปริมาณ Hb F ปริมาณ 9.9% และ 17.2-20.0% ตามลำดับ ผู้ที่เป็นพาหะของ HPFH จะมีอาการรุนแรงน้อยอาจซีดเล็กน้อย MCV ต่ำเล็กน้อย ระดับ Hb F อยู่ระหว่าง 10-20%¹³

Delta-Beta thalassemia [($\delta\beta$)⁰-thalassemia]

เดลต้าเบต้าธาลัสซีเมีย ($\delta\beta$ -thalassaemia) เป็นภาวะที่มีการแสดงออกของ γ -globin gene และไม่มีการแสดงออกของ $\delta\beta$ -globin gene ผลจะมีการสร้าง Hb F สูง เม็ดเลือดแดงจะติดสีจางมีขนาดเล็ก (hypochromic microcytic red cell) ผู้ที่เป็นพาหะจะมี Hb F ระหว่าง 4-18%¹⁴

HPFH-6/ β -thalassemia และ HPFH-6 /Hb E

เป็น thalassemia intermedia ที่เกิดจากยีน HPFH-6 ร่วมกับ β -thalassemia gene และ HPFH-6 ร่วมกับ Hb E gene ตามลำดับอาการทางคลินิกจะไม่รุนแรงตรวจทางห้องปฏิบัติการพบ ซีด

ตารางที่ 5 แสดงความผิดปกติของ β - thalassemia gene ในประเทศไทยแบ่งตามภูมิภาค

No.	ความผิดปกติ (mutation)	ชนิด	กรุงเทพ ¹⁷	ภาคตะวันออกเฉียงเหนือ ¹⁸	ภาคใต้ ¹⁹	ภาคเหนือ ²⁰
			จำนวน (%)	จำนวน (%)	จำนวน (%)	จำนวน (%)
1.	Codon 41/42 (-CTTT)	β^0	50 (36.3)	307 (36.1)	33 (32.0)	108 (49.5)
2.	Codon 17 (A-T)	β^0	24 (17.4)	215 (25.3)	11 (10.7)	75 (34.4)
3.	-28 (A-G)	β^+	20 (14.5)	191 (22.5)	8 (7.8)	3 (1.4)
4.	IVS II-654 (C-T)	β^0	8 (5.8)	19 (2.2)	1 (0.9)	1 (0.4)
5.	IVS I-5 (G-C)	β^+	7 (5.1)	14 (1.6)	23 (12.3)	-
6.	Codon 71/71 (+A)	β^0	6 (4.3)	36 (4.2)	1 (0.9)	13 (6)
7.	-31 (A-G)	β^+	4 (3.0)	1 (0.1)	-	1 (0.4)
8.	Codon 19 (A-G)	β^+	3 (2.2)	1 (0.1)	8 (7.8)	-
9.	IVS I-1 (G-T)	β^0	3 (2.2)	26 (3.1)	8 (7.8)	15 (6.9)
10.	Codon 35 (C-A)	β^0	2 (1.4)	4 (0.4)	-	-
11.	-87 (C-A)	β^+	1 (0.7)	2 (0.2)	-	2 (1.0)
12.	Del 3.4 kb	β^+	1 (0.7)	19 (2.2)	-	-
13.	Codon 126 (T-G)	β^+	3 (2.2)	-	-	-
14.	Int (T-G)	β^0	2 (1.4)	-	-	-
15.	-30 (T-C)	β^+	2 (1.4)	-	-	-
16.	Codon 16/17(+G)	β^0	1 (0.7)	-	-	-
17.	Codon 123/125(-8bp)	β^0	1 (0.7)	-	-	-
18.	Codon 43 (G-T)	β^0	-	6 (0.7)	-	-
19.	Codon 26 (G-T)	β^+	-	4 (0.5)	-	-
20.	Codon 95 (+A)	β^+	-	1 (0.1)	8 (7.8)	-
21.	Codon 41 (-C)	β^+	-	-	1 (0.9)	-
22.	Uncharacterized		-	-	5 (4.8)	-
รวม			138 (100)	849 (100)	103 (100)	218 (100)

เล็กน้อย MCV ต่ำเล็กน้อย ตรวจเสมียร์เลือดพบเม็ดเลือดแดง ตืดสีจาง (hypochromic) มีขนาดเล็ก (microcytosis) ตรวจ ชนิดของฮีโมโกลบิน (Hb type) จะพบ Hb A₂F และ Hb E F ตามลำดับ ผู้ป่วยไม่จำเป็นต้องได้รับเลือด (non-transfusion dependent) การดำเนินชีวิตใกล้เคียงปกติ¹⁵

Hemoglobin Lepore

เป็นฮีโมโกลบินผิดปกติเกิดจากการรวมกัน (hybrid) ของ δ และ β globin เกิดจาก unequal crossover ของ δ และ β globin gene ชนิดที่พบได้แก่ Hb Lepore-Washington-Boston, Hb Lepore-Baltimore และ Hb Lepore-Hollandia ผู้ที่เป็นพาหะ จะมีลักษณะทางคลินิกเป็น β -thalassemia trait การสังเคราะห์ Hb F สูงหากมีปฏิสัมพันธ์กับ β - thalassemia หรือ Hb E จะ

มีลักษณะเป็นแบบ thalassemia intermedia¹⁶

การศึกษา $\delta\beta$ - thalassemia และ HPFH ในระดับโมเลกุล¹⁴ พบร้อยละ 92.7 เกิดจาก DNA deletion ขนาดใหญ่แตกต่างกัน สามารถจำแนกออกเป็นชนิด $^{\alpha}\gamma^{\delta}\beta^0$ - thalassemia พบร้อยละ 54.2, deletional HPFH-6 พบร้อยละ 30.4 และชนิด deletion-inversion $^{\alpha}\gamma^{\delta}\beta^0$ - thalassemia พบร้อยละ 8.1 ที่เหลืออีก ร้อยละ 7.3 บางส่วนตรวจพบว่าเกิดจากภาวะ high Hb F determinant อื่นๆ เช่น Chinese $^{\alpha}\gamma^{\delta}\beta^0$ - thalassemia, SEA -HPFH และ $\delta\beta$ -hybrid Hb (Hb Lepore type) เป็นต้น ดังนั้นการตรวจวินิจฉัยแยกภาวะ $\delta\beta$ - thalassemia และ HPFH ออกจาก β - thalassemia ในงานประจำวันจึงมีความสำคัญต่อการดูแลรักษาและให้คำปรึกษาแนะนำทางพันธุกรรมแก่ผู้ป่วยและผู้ที่เกี่ยวข้อง

โดยสรุป ปัจจุบันเนื่องจากการส่งตรวจหาชนิดของฮีโมโกลบินมากขึ้น จึงมีโอกาสตรวจพบฮีโมโกลบินผิดปกติมากขึ้น อาจจำเป็นต้องตรวจ Hb type ของบุคคลในครอบครัวร่วมด้วย และการวินิจฉัยข้อมูลเหล่านี้จำเป็นต้องใช้การตรวจหลายๆ อย่างร่วมกัน ตลอดจนลักษณะพื้นฐานการเกิดฮีโมโกลบินผิดปกติชนิดต่างๆ และโรคธาลัสซีเมียในระดับโมเลกุล เพื่อให้การวินิจฉัยทางห้องปฏิบัติการถูกต้องนำมาซึ่งการให้บริการการตรวจวินิจฉัยทารกในครรภ์ เพื่อการวางแผนงานการควบคุมและป้องกันโรคธาลัสซีเมียให้ลดลง

เอกสารอ้างอิง

1. Fucharoen S, Winichagoon P. Haemoglobinopathies in southeast Asia. *Indian J Med Res* 2011;134:498-506.
2. Weatherall DJ. Molecular basis for some disorders of haemoglobin synthesis I. *Br Med J* 1974;4(5942):451-4.
3. Hartevelde CL, Higgs DR. Alpha-thalassaemia. *Orphanet J Rare Dis* 2010;5:13.
4. Sae-ung N, Fucharoen G, Sanchaisuriya K, Fucharoen S. Alpha(0)-thalassaemia and related disorders in northeast Thailand: a molecular and hematological characterization. *Acta Haematol* 2007;117:78-82.
5. Fucharoen S, Viprakasit V. Hb H disease: clinical course and disease modifiers. *Hematology Am Soc Hematol Educ Program* 2009:26-34.
6. Laosombat V, Wiriyasateinkul A, Chrangtrakul Y, Fucharoen S. Rapid detection of an alpha thalassaemia variant (Hb Quong Sze). *Haematologica* 2003;88:ELT27.
7. Singsanan S, Karnpean R, Fucharoen G, Sanchaisuriya K, Sae-Ung N, Fucharoen S. Hemoglobin Q-Thailand related disorders: origin, molecular, hematological and diagnostic aspects. *Blood Cells Mol Dis* 2010;45:210-4.
8. Boonsa S, Sanchaisuriya K, Fucharoen G, Wiangnon S, Jetsrisuparb A, Fucharoen S. The diverse molecular basis and hematological features of Hb H and AEBart's diseases in Northeast Thailand. *Acta Haematol* 2004;111:149-54.
9. Viprakasit V, Tanphaichitr VS, Veerakul G, Chinchang W, Petrarat S, Pung-Amritt P, et al. Co-inheritance of Hb Pak Num Po, a novel alpha1 gene mutation, and alpha0 thalassaemia associated with transfusion-dependent Hb H disease. *Am J Hematol* 2004;75:157-63.
10. Siriratmanawong N, Pinmuang-Ngam C, Fucharoen G, Fucharoen S. Prenatal diagnosis of Hb Bart's hydrops fetalis caused by a genetic compound heterozygosity for two different alpha-thalassaemia determinants. *Fetal Diagn Ther* 2007;22:264-8.
11. Kazazian HH, Jr., Boehm CD. Molecular basis and prenatal diagnosis of beta-thalassaemia. *Blood* 1988;72:1107-16.
12. Thein SL, Winichagoon P, Hesketh C, Best S, Fucharoen S, Wasi P, et al. The molecular basis of beta-thalassaemia in Thailand: application to prenatal diagnosis. *Am J Hum Genet* 1990;47:369-75.
13. Carrocini GC, Zamaro PJ, Bonini-Domingos CR. What influences Hb fetal production in adulthood? *Rev Bras Hematol Hemoter* 2011;33:231-6.
14. Panyasai S, Fucharoen S, Surapot S, Fucharoen G, Sanchaisuriya K. Molecular basis and hematologic characterization of deltabeta-thalassaemia and hereditary persistence of fetal hemoglobin in Thailand. *Haematologica* 2004;89:777-81.
15. Fucharoen S, Fucharoen G, Sanchaisuriya K, Surapot S. Molecular characterization of thalassaemia intermedia associated with HPFH-6/beta-thalassaemia and HPFH-6/Hb E in Thai patients. *Acta Haematol* 2002;108:157-61.
16. Viprakasit V, Pung-Amritt P, Suwanthorn L, Clark K, Tanphaichitr VS. Complex interactions of deltabeta hybrid haemoglobin (Hb Lepore-Hollandia) Hb E (beta(26G-->A)) and alpha+ thalassaemia in a Thai family. *Eur J Haematol* 2002;68:107-11.
17. Viprakasit V, Limwongse C, Sukpanichnant S, Ruangvutitert P, Kanjanakorn C, Glomglao W, et al. Problems in determining thalassaemia carrier status in a program for prevention and control of severe thalassaemia syndromes: a lesson from Thailand. *Clin Chem Lab Med* 2013:Inpress.
18. Yamsri S, Sanchaisuriya K, Fucharoen G, Sae-Ung N, Fucharoen S. Genotype and phenotype characterizations in a large cohort of beta-thalassaemia heterozygote with different forms of alpha-thalassaemia in northeast Thailand. *Blood Cells Mol Dis* 2011;47:120-4.
19. Laosombat V, Fucharoen SP, Panich V, Fucharoen G, Wongchanchailert M, Sriroongrueng W, et al. Molecular basis of beta thalassaemia in the south of Thailand. *Am J Hematol* 1992;41:194-8.
20. Sirichotiyakul S, Saetung R, Sanguansermsri T. Analysis of beta-thalassaemia mutations in northern Thailand using an automated fluorescence DNA sequencing technique. *Hemoglobin* 2003;27:89-95.